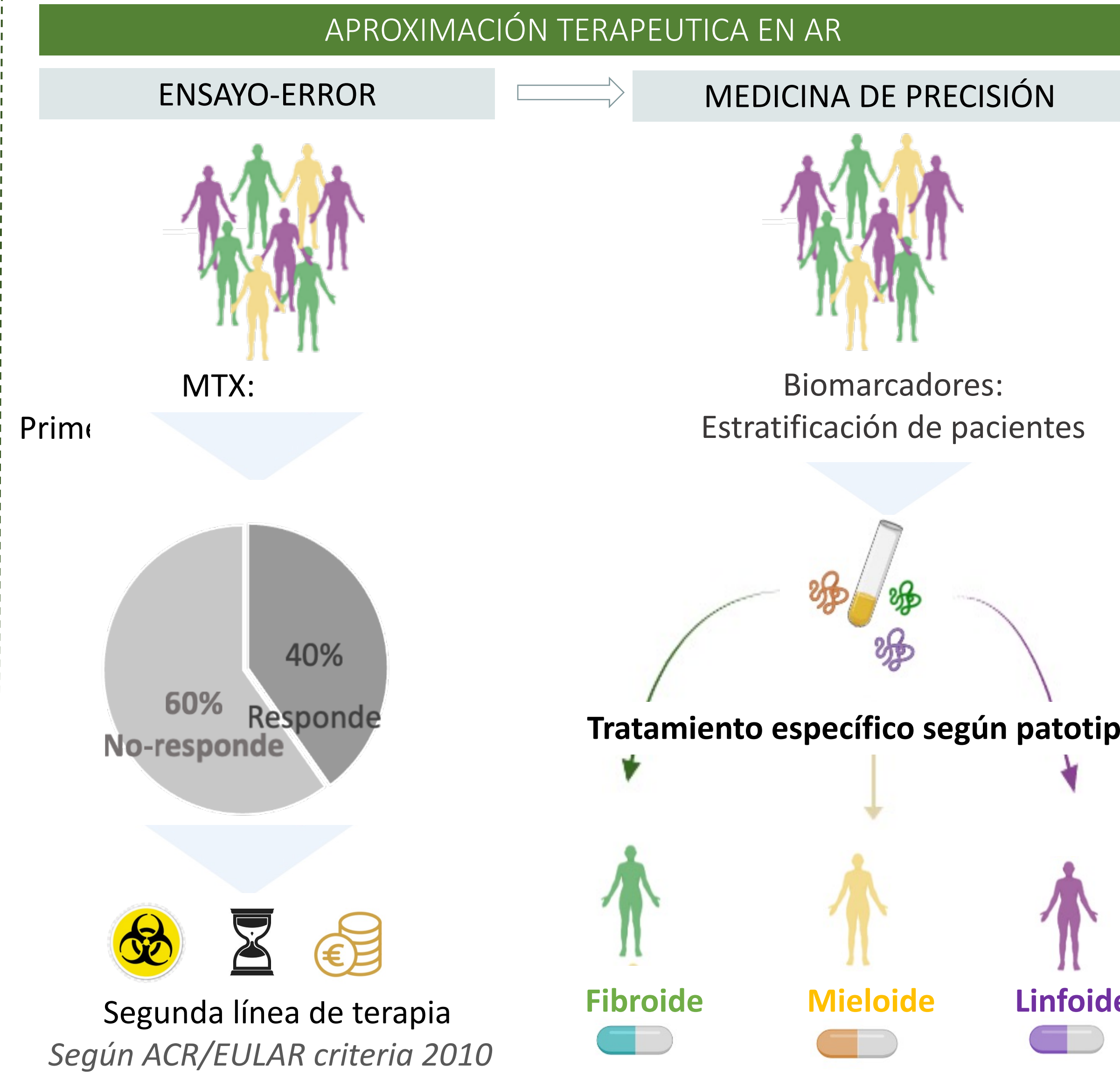
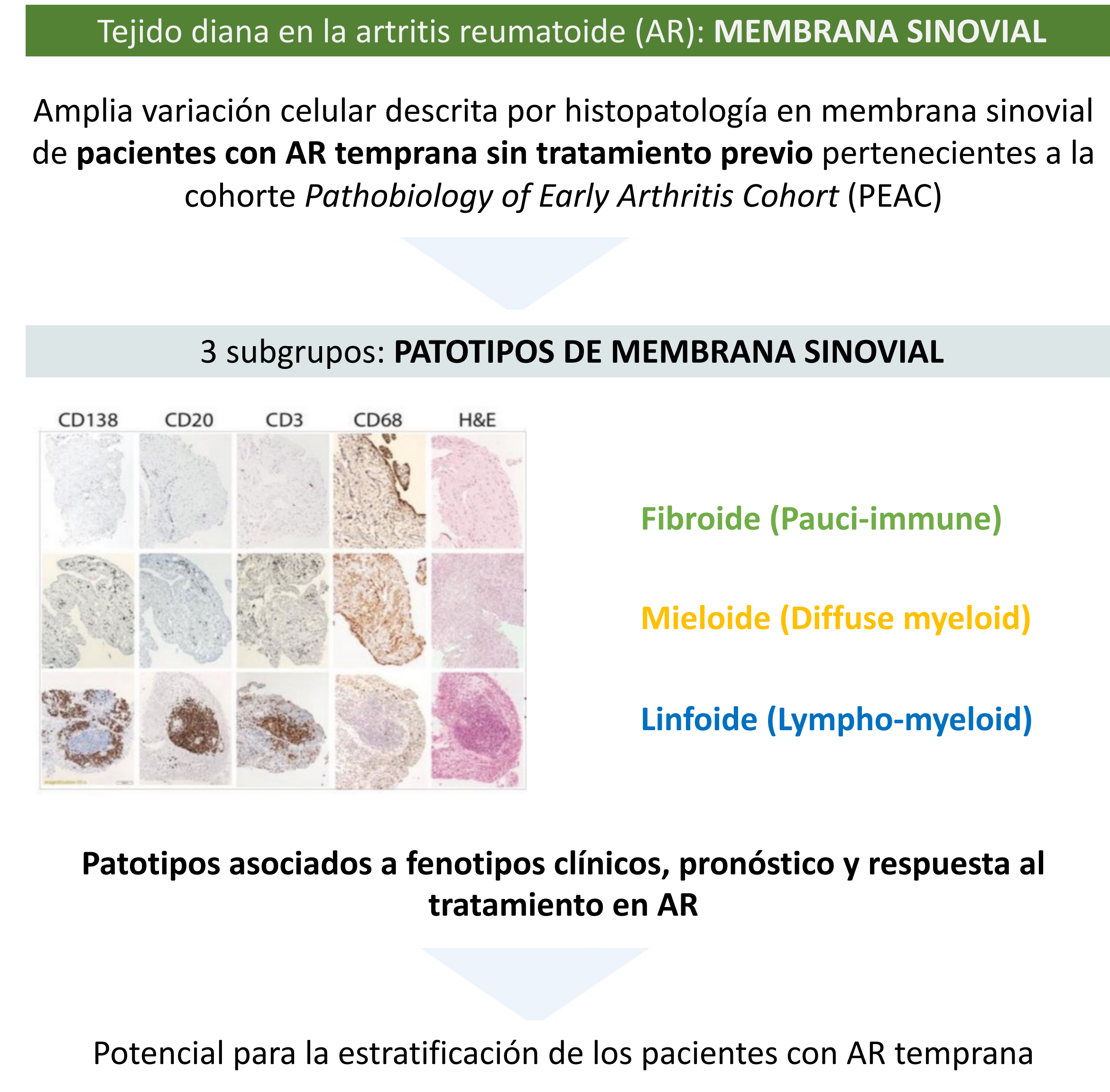
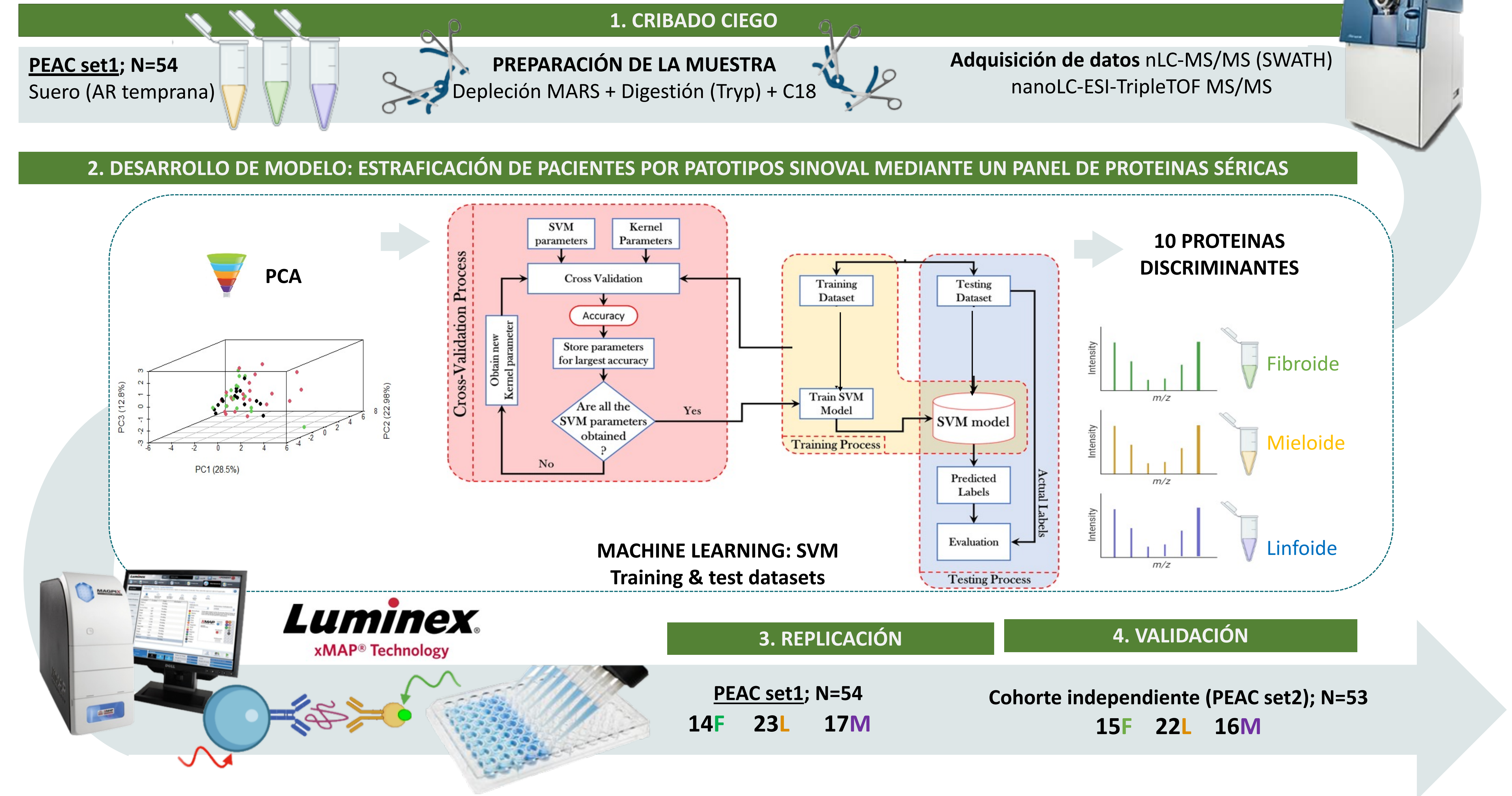


Antecedentes:



Material y métodos:

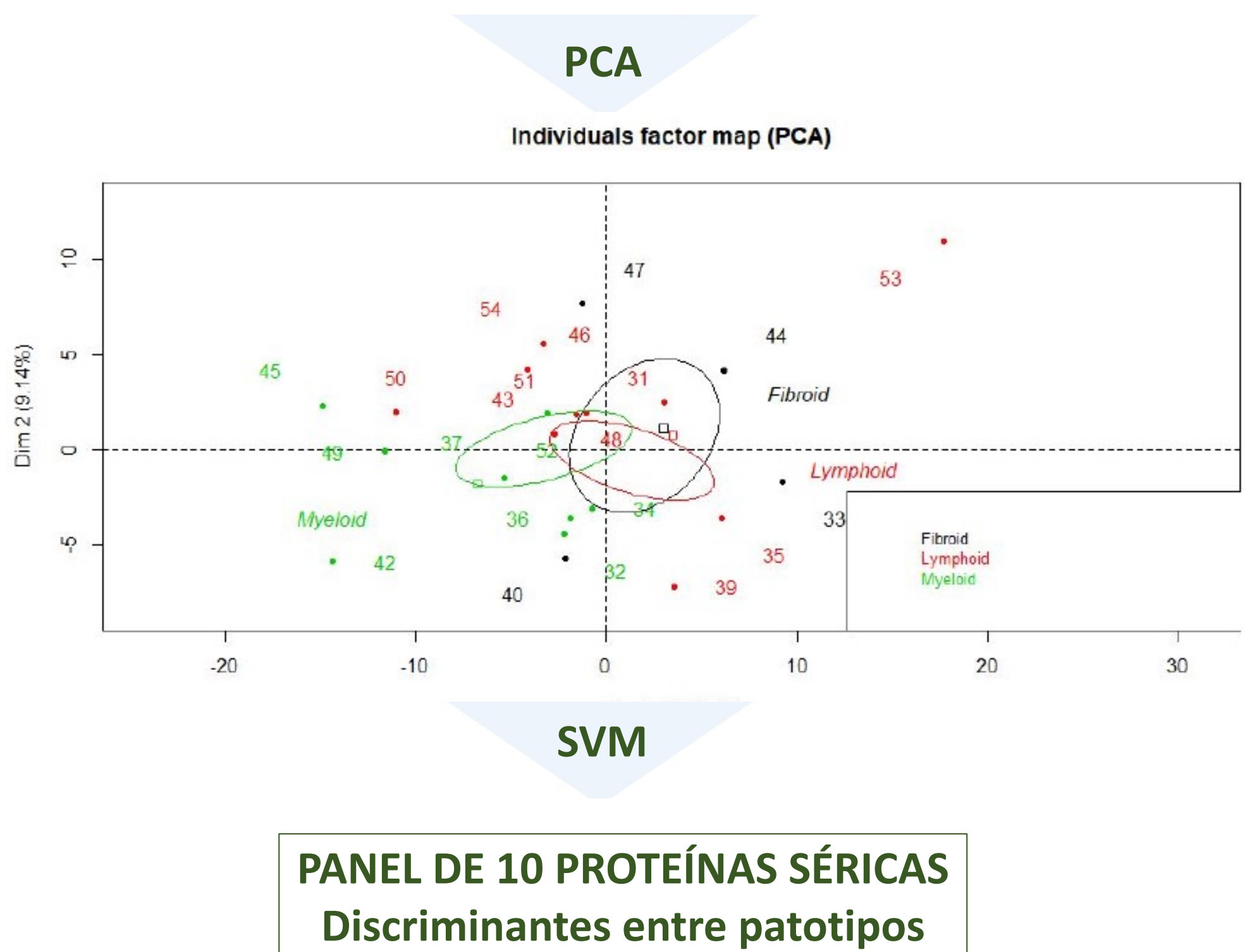


Objetivo:

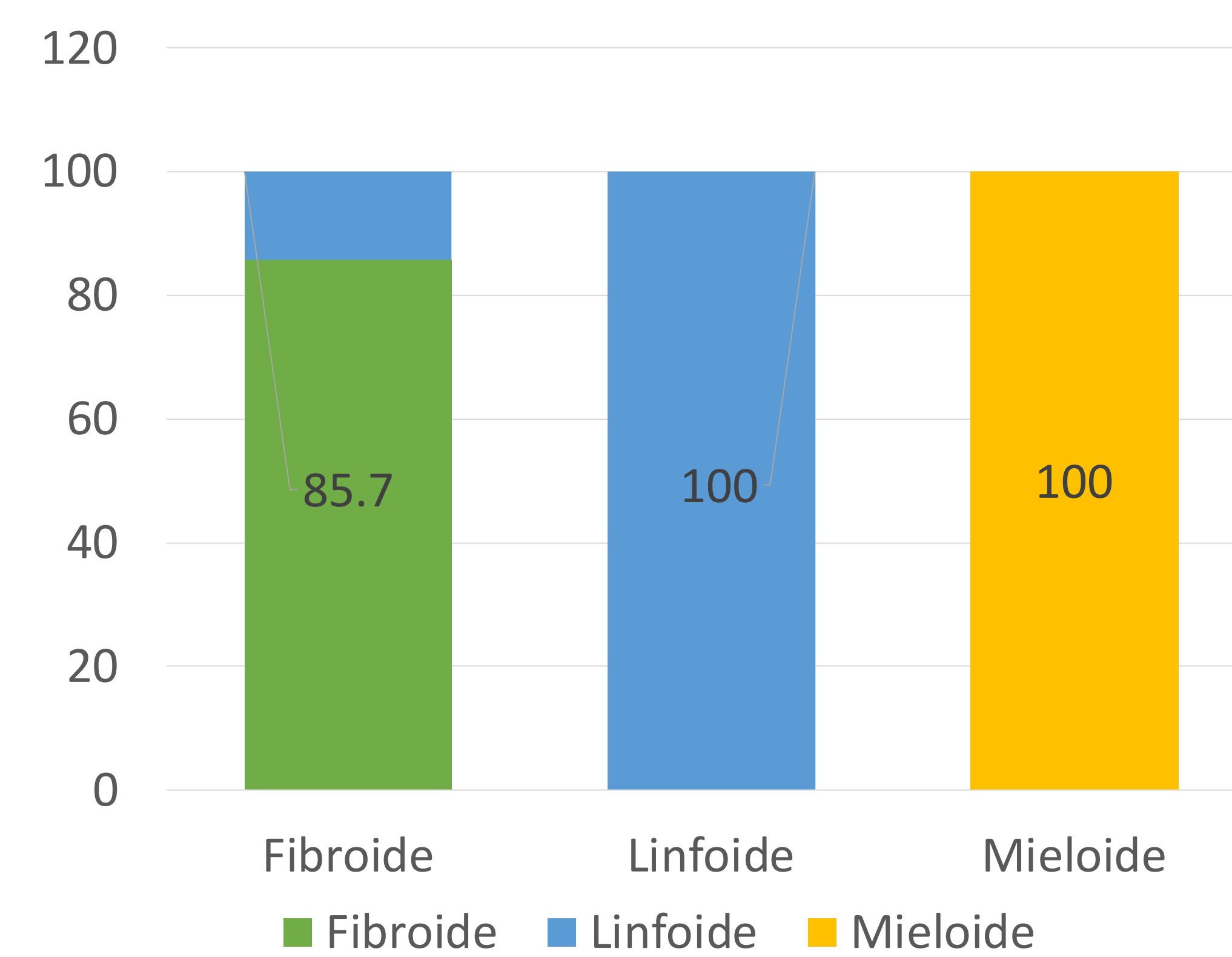
Descubrir y validar biomarcadores proteicos circulantes asociados con patotipos sinoviales para desarrollar un algoritmo útil como herramienta de medicina de precisión para la estratificación de pacientes en AR temprana

Resultados:

229 proteínas identificadas y cuantificadas por SWATH-MS/MS

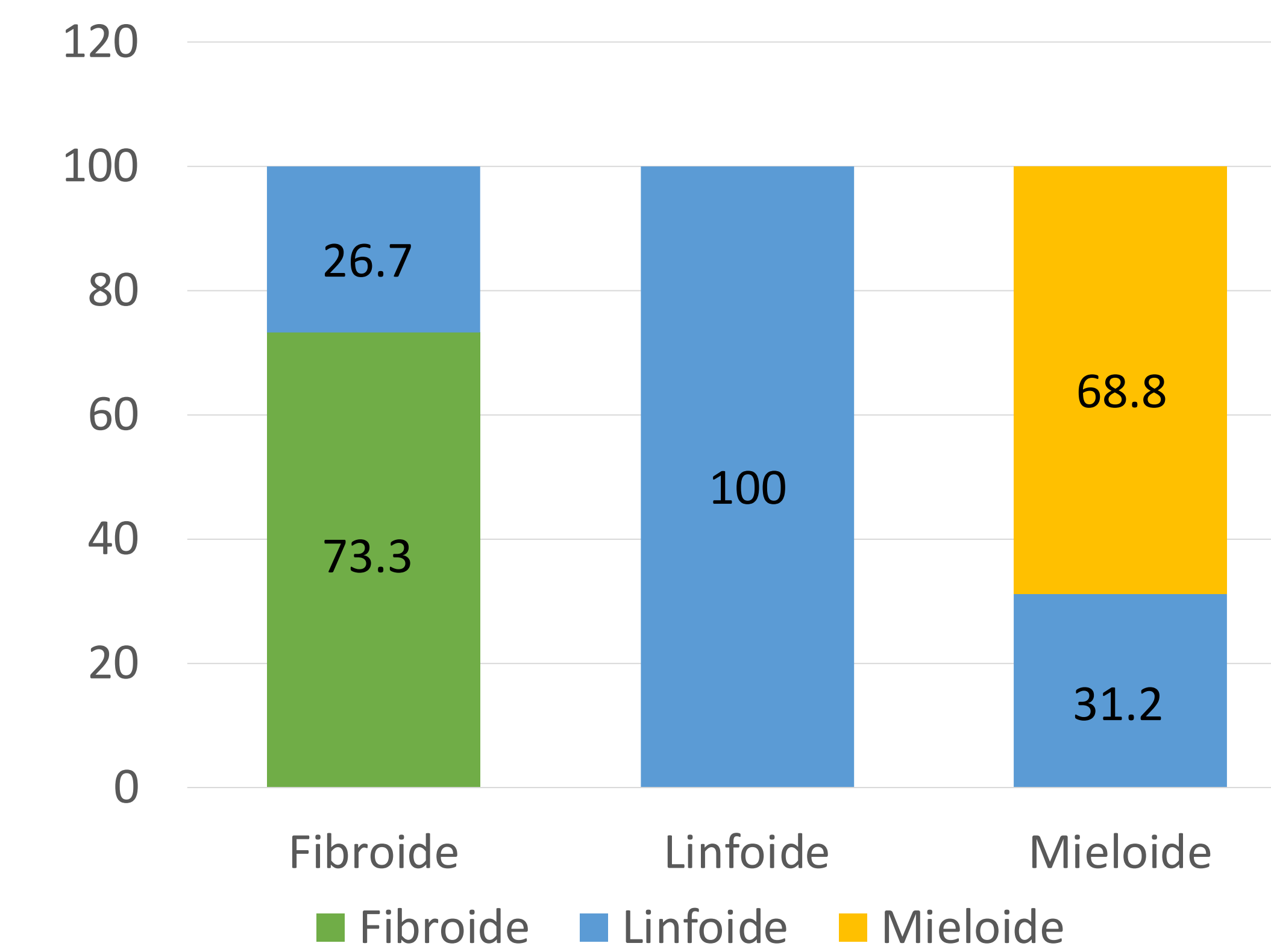


DESARROLLO DEL MODELO (PEAC set1)



Métricas Training	Fibroide	Linfoide	Mieloide
Sensibilidad	0.857	1.000	1.000
Especificidad	1.000	0.935	1.000
VPP	1.000	0.920	1.000
VPN	0.952	1.000	1.000
Kappa		0.943	
Accuracy (IC 95%)	0.963 (0.872-0.995)		

VALIDACIÓN DEL MODELO (PEAC set2)



Métricas Validación	Fibroide	Linfoide	Mieloide
Sensibilidad	0.733	1.000	0.687
Especificidad	1.000	0.710	1.000
VPP	1.000	0.710	1.000
VPN	0.905	1.000	0.881
Kappa		0.733	
Accuracy (IC 95%)	0.830 (0.702-0.919)		

Conclusión:

Se ha desarrollado un algoritmo basado en un panel de biomarcadores circulantes útil para estratificar a los pacientes con AR temprana en base a su patotipo de membrana sinovial. El rendimiento del clasificador desarrollado se validó con un método fácilmente traslacional basado en inmunoensayos.

